

POPULARNONAUKOWY OPIS BADAŃ PROWADZONYCH W RAMACH ROZPRAWY DOKTORSKIEJ

Klasyczny chłoniak Hodgkina (cHL) jest jednym z najczęściej występujących chłoniaków, ze średnią zapadalnością na poziomie 2,4/100 000 dla mężczyzn oraz 1,9/100 000 kobiet rocznie w Europie. W Polsce, co roku diagnozowanych jest około 1000 nowych przypadków. Należy podkreślić, że dotyka on często osoby młode, poniżej 20 roku życia i pomimo znacznego postępu w leczeniu choroby, skutki uboczne stosowanej chemio i radioterapii obniżają w sposób drastyczny komfort życia pacjentów. Badania nad podłożem genetycznym chłoniaka Hodgkina są niezbędne dla lepszego zrozumienia mechanizmów prowadzących do powstania oraz rozwoju choroby. Dotychczasowe badania zaowocowały wskazaniem wielu zmian na poziomie (epi)genetycznym i powinny być kontynuowane w celu lepszego zrozumienia patogenezy chłoniaka Hodgkina.

W ramach pracy doktorskiej skupiono się na roli i znaczeniu microRNA jak również czynników transkrypcyjnych, które ulegają nieprawidłowej ekspresji w chłoniaku Hodgkina. MicroRNA to krótkie, niedokujące białek cząsteczki, które poprzez oddziaływanie z większością genów regulują ich ekspresję. Zaburzenia we wspomnianym oddziaływaniu prowadzą do deregulacji funkcjonowania całych szlaków sygnałowych w komórkach nowotworowych i w konsekwencji ucieczki przed eliminacją przez układ immunologiczny. Wyniki uzyskane poprzez profilowanie ekspresji microRNA mogą w przyszłości zostać wykorzystane w diagnostyce molekularnej i być użyteczne w monitorowaniu choroby. Jest to niezwykle istotny element, który skłonił wnioskodawcę do podjęcia omawianych badań.

W ramach stypendium ETIUDA zaplanowane jest odbycie stażu zagranicznego w renomowanym ośrodku Dana-Farber Cancer Institute, Harvard Medical School, o dużym doświadczeniu we wdrażaniu zdobyczy nauk podstawowych do diagnostyki i praktyki klinicznej, co jest kluczowe dla dalszego wykorzystania wyników uzyskanych w ramach przygotowywanej rozprawy doktorskiej.

Podsumowując, opisane badania poszerzą obecną wiedzę na temat patogenezy klasycznego chłoniaka Hodgkina oraz mogą przyczynić się do opracowania nowych metod diagnostycznych i terapeutycznych.