



badania, które umożliwi: 1. Ustalenie zależności między strukturą a funkcją obu CjDsbA oraz nieprzebadanego jak dotąd C8J1298 –potencjalnie homologa EcDsbC, odgrywającego rolę w procesach naprawczych; 2. Przeanalizowanie oddziaływań pomiędzy białkami Dsb; 3. Analizę wpływu białek DsbA i C8J1298 na proces wirulencji *C. jejuni* oraz 4. Zidentyfikowanie substratów CjDsbA. Badania powinny doprowadzić do stworzenia modelu funkcjonowania oksydacyjnego fałdowania białek *C. jejuni* oraz określenia jego wpływu na proces wirulencji.

Jednocześnie nie warto zauważyć aspekt aplikacyjny proponowanych w projekcie badań. W ostatnim dziesięcioleciu obserwujemy znaczący wzrost liczby szczepów bakteryjnych opornych na stosowane w terapiach antybiotyki. Dotyczy to także infekcji *Campylobacter* i skutkuje brakiem skuteczności działań terapeutycznych lub znaczącym wydłużeniem czasu podawania leków. Białka Dsb wpływające na strukturę przestrzenną czynników wirulencji wydają się być dogodnym celem działania nowej generacji leków. Zahamowanie ich aktywności powinno skutkować, jeżeli nie całkowitym usunięciem patogenu, to wspomaganie aktywności układu odpornościowego i złagodzeniem objawów chorobowych.